

6月11日(金)、12日(土)、理化学研究所横浜研究所(横浜市鶴見区)において、ICAR2010 Satellite Workshop "Inference and Modelling of Regulatory Networks in Multicellular Systems" (<http://www.cpib.ac.uk/2010/riken-workshop-2010/>)を開催します。

お忙しいところ大変恐縮ですが、関連研究者や学生さんにも周知いただき、数多くの方々に参加していただければ幸いです。

主催：英国バイオテクノロジー・生物科学研究会議  
駐日英国大使館  
ノッティンガム大学植物科学研究センター  
独立行政法人理化学研究所

オーガナイザー：Alessandra Devoto (SBS, Royal Holloway, University of London, UK)  
Nick Monk (Mathematics, University of Nottingham, UK)  
関 原明 (RIKEN Plant Science Center, JAPAN)  
和田拓治 (University of Miyazaki, JAPAN)

期日：2010年6月11日(金) 9:30-17:10 (9:00開場)  
6月12日(土) 9:30-12:35  
会場：理化学研究所横浜研究所交流棟ホール(横浜市鶴見区末広町1-7-22)  
<http://www.yokohama.riken.jp/outline/access/index.html>

言語：英語

ワークショップ参加費：無料

懇親会(6月11日)参加費：3000円

昼食(6月11日および12日)：600円/昼食

懇親会および昼食をご希望の方は、当日受付で現金にてお支払いして頂きます。

事前参加申し込みが必要(5月25日締め切り、200名まで)

希望者は登録フォーム

(<http://www.cpib.ac.uk/registration-for-imms-workshop/>)

に必要事項を記入しwebから申し込んで下さい。

ホームページ：<http://www.cpib.ac.uk/2010/riken-workshop-2010/>

プログラム：

6月11日(金)

9:30-9:45

Kazuo Shinozaki(RIKEN PSC, Japan) ; Alessandra Devoto(Royal Holloway, University of London, UK)

Welcome and Introduction

9:45-10:25

Yves Van de Peer (VIB/Ghent Univ., Belgium)

Towards system level modeling of functional modules and context specific pathways using genome-scale data

10:25-11:05

Tetsuro Toyoda (RIKEN BASE, Japan)

Rational genome design with Arabidopsis semantic web: towards synthetic biology for green innovation

11:05-11:30

Coffee Break

11:30-12:10

Michael Stumpf (Imperial College London, UK)/Tina Toni (Imperial College London, UK)

Model-selection for signal transduction dynamics using approximate Bayesian computation

12:10-12:50

Henrik Jönsson (Lund Univ., Sweden)

Inferring networks for stem cell regulation in the plant shoot

12:50-14:00

Lunch

14:00-14:40

Tomoaki Nishiyama (Kanazawa Univ., Japan) and Mitsuyasu Hasebe (NIBB, Japan)

Networks in the cell-fate change to a pluripotent stem cell from a differentiated cell in the moss *Physcomitrella patens*

14:40-15:20

Alberto Paccanaro (Royal Holloway, Univ. of London, UK)

Inference and structure discovery in biological networks

15:20-15:50

Coffee Break

15:50-16:30

Cris Kuhlemeier (Univ. of Bern, Switzerland)

Modeling phyllotaxis

16:30-16:50

Alessandra Devoto (Royal Holloway, Univ. of London, UK)

Construction of the *Arabidopsis* jasmonate signalling network

16:50-17:10

Hirofumi Nakagami (RIKEN PSC, Japan)

Phosphoproteomics approach for plant signaling network dissection

18:00-20:00

Dinner Party (RIKEN Cafeteria)

6月12日 (土)

9:30-10:10

Nicholas Luscombe (EBI, UK)

Genomic principles for feedback regulation of metabolism

10:10-10:50

Henning Redestig (RIKEN PSC, Japan) and Kazuki Saito (RIKEN PSC/Chiba Univ., Japan)

Using multi-platform metabolomics to model phenotypic variance of rice kernels

10:50-11:05

Break

11:05-11:45

Ryoichiro Kageyama (Kyoto Univ., Japan)

Ultradian oscillations in somite segmentation and other biological events

11:45-12:05

Jong-Myong Kim (RIKEN PSC, Japan), Taiko Kim To (RIKEN PSC/Univ. of Tokyo, Japan) and Motoaki Seki (RIKEN PSC/Yokohama City Univ, Japan)

Genome-wide silencing of transposable elements by HDA6 in Arabidopsis

12:05-12:25

Nick Monk (Univ. of Nottingham, UK)

Modelling oscillatory activity in the Notch signalling pathway

12:25-12:35

Nick Monk (Univ. of Nottingham, UK)

Closing Remark

12:35-14:00

Lunch

14:00-

Parallel targeted round tables (Closed Discussion)